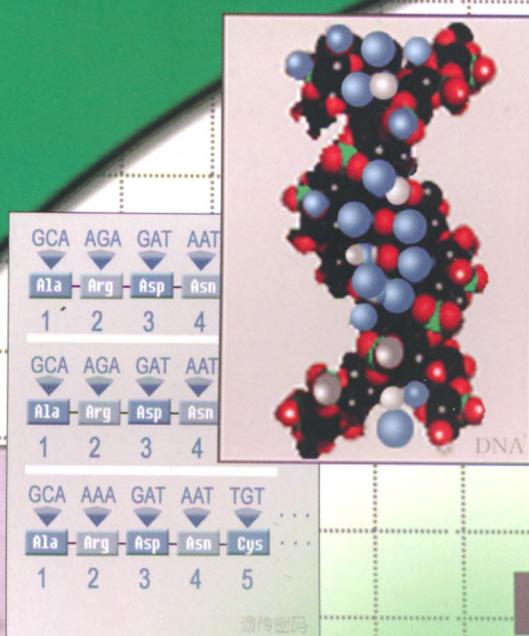


生物信息学

Chinese Journal of Bioinformatics

第4期

2012年12月



■ 本刊为中国科技核心期刊

本刊被下列数据库收录:

中国期刊全文数据库 (CJFD)

中国核心期刊(遴选)数据库

中国学术期刊综合评价数据库 (CAJCED)

Chinese Journal of Bioinformatics

Vol. 10 No. 4 Dec. ,2012

Contents

Reconstruction of microRNA co-regulation network reveals the properties of microRNA regulation mechanism	...
.....	BAO Kai, LIU Ke, SUN Zhi-rong(229)
Cloning and bioinformatics analysis of transferrin gene of <i>Musca domestica</i> (Housefly)
.....	GONG Xiao-lin, ZHANG Jie, LI Xian-hang, LIU Hong-mei(234)
A new method for predicting protein structural classes LI Nan, LI Chun(238)
Hydrogen bonds in watson-crick base pairs:a density functional theory (DFT) study
.....	ZHE Jian-wu, JIN Neng-zhi, MA Yao, SHEN Yu-lin(241)
Comparison of autodock vina and discovery studio in virtual screening for antibiotic resistance protein inhibitors
.....	HUANG Yong, CHEN Chen, ZHANG Zhi-yi, TONG Yi-gang, ZHAO Yong(248)
Screening the potential H1N1 virus neuraminidase inhibitors from Chinese herbal medicine based on molecular docking ZHU Chun-yu, LI Xue-jiao, ZHANG li, DUAN Yan-ting, LIU Hong-sheng(254)
Evaluation for prediction methods of α – helix transmembrane protein topology
.....	ZHANG Ying, XU Xiao-yan, LI Juan, FANG Hui-sheng(259)
The clustering analysis of HTLV – I from each area WU Yan, TAN Cheng-jie, ZHU Ping(264)
Clustering structural analysis of protein sequences TAO Hua, TANG Xu – qing(269)
HIV – 1 protease cleavage site prediction based on two stage feature selection method
.....	YUAN Xiao – Chen, NIU Bing, YIN Jing – Yuan(274)
Food allergenic proteins and its detection methods WANG Rong-chun, HOU Ai-ju, MA Ying(280)
Progresses in the biosynthesis pathways of conjugated linoleic acids in ruminants
.....	HOU Ai-ju, WANG Rong-chun, DAI Cui-hong, ZHANG Lan-wei(285)
Progress in prediction of γ – turns ZHOU Su-xia, LI Juan, FANG Hui-sheng, CHEN Kan-xian(293)
Application of aptamers in medicine HE Da – li, ZENG Zhao – fang(297)
<i>S. aureus</i> Monitor and clean ZENG Xiang-miao(301)

目 次

基于 microRNA 共调控网络的 microRNA 调控机制研究	包 错, 刘 珂, 孙之荣(229)
家蝇转铁蛋白基因的克隆和生物信息学分析	龚晓林, 张 洁, 李显航, 刘红美(234)
一种新的蛋白质结构类预测方法	李 楠, 李 春(238)
基于密度泛涵理论研究 Watson - Crick 碱基对中的氢键特征	者建武, 金能智, 马 羯, 沈玉琳(241)
Autodock Vina 与 Discovery Studio 在虚拟筛选耐药蛋白抑制剂中的比较	黄 勇, 陈 晨, 张志毅, 童贻刚, 赵 勇(248)
基于分子对接技术筛选中草药中潜在的 H1N1 病毒神经氨酸酶抑制剂	朱春玉, 李雪娇, 张 力, 段艳婷, 刘宏生(254)
α -螺旋跨膜蛋白拓扑结构预测方法的评价	张 莹, 徐晓燕, 李 娟, 方慧生(259)
各地区人类嗜 T 细胞病毒 I 型的聚类分析	吴 艳, 谈承杰, 朱 平(264)
蛋白质序列的聚类结构分析	陶 华, 唐旭清(269)
基于二层特征筛选的 HIV - 1 蛋白酶特异位点预测	袁啸尘, 钮 冰, 尹京苑(274)
食物致敏蛋白及其检测方法	王荣春, 侯爱菊, 马 莺(280)
反刍动物体内共轭亚油酸生物合成途径研究进展	侯爱菊, 王荣春, 代翠红, 张兰威(285)
γ -转角的研究进展	周素侠, 李 娟, 方慧生, 陈凯先(293)
核酸适配子在医学中的应用研究	何大莉, 曾照芳(297)
金黄色葡萄球菌的检测与清除	曾湘森(301)