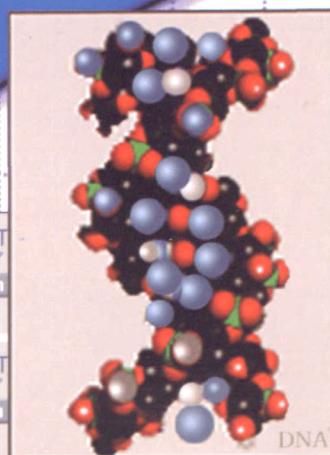
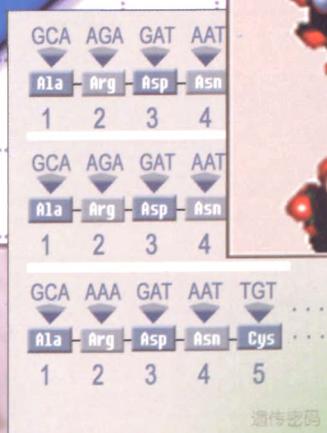


生物信息学

Chinese Journal of Bioinformatics

第2期
2013年6月



■ 本刊为中国科技核心期刊

本刊被下列数据库收录：

中国期刊全文数据库（CJFD）

中国核心期刊(遴选)数据库

中国学术期刊综合评价数据库（CAJCED）

中国生物医学文献数据库（SinoMed）

ISSN 1672-5565



0 6>

9 771672 556133

哈尔滨工业大学主办

目 次

研究论文

- 类群特异性 PCR 引物设计与评估 董 声, 俞志明, 宋秀贤, 韩笑天, 曹西华(79)
基于序列疏水值震荡的折叠速率预测 胡 睿, 史小红, 李晋惠(86)
甘蔗天冬氨酸半醛脱氢酶基因的电子克隆与分析
..... 黄 宁, 张玉叶, 苏亚春, 罗 俊, 王建华, 苏炜华, 许莉萍, 阙友雄(91)

- 基于 k-mer 组分信息的系统发生树构建方法 刘红梅, 刘国庆(100)
基于 Make2D-DB II 构建水稻二维电泳-质谱联动数据库 ... 刘海军, 朱克明, 杨艳华, 邱旭华, 陈克平(105)
绿色木霉内切几丁质酶 cDNA 的克隆及其编码蛋白的序列分析 于 平, 杨卫芳, 章慧慧(109)

综述

- GPGPU 加速生物序列比对研究进展 沈玉琳, 金能智, 孙一桐, 者建武, 马 羯(115)

研究快报

- 大米蛋白调控成熟期大鼠 LDLR 基因及蛋白表达 彭 雪, 杨 林, 刘巧红, 李娅楠, 李 凯(120)
枯草杆菌蛋白耐热性改造区域的识别 丁 程, 李晓琴(124)
构建和评估猪氨基酰化酶 I 的三维结构 刘志刚, 邓 贝, 杨 波, 胡 征(130)
应用 PPIN 分析肝移植临床耐受患者 PBMC 基因表达特点
..... 徐洪来, 肖 敏, 杨 超, 高 义, 雉真龙, 周鸿敏, 陈忠华(136)
DNA 序列基于 k-字的数值刻画及其应用 刘俊宏, 李 春(142)
结构方程混合模型在 SNP 分析中的应用 杨圆圆, 贾志杰, 李 治, 罗艳红, 张岩波(146)
基于核小体位置预测的酵母进化印迹研究 肖建平, 丰继华, 卢 英, 单秋甫(150)
小麦长链非编码 RNA 的预测及功能分析 束永俊, 张晶红, 王明波, 郭东林, 王晓萍, 郭长虹(153)
肌球蛋白工作循环的机械化学偶联模型 彭艳辉, 何东力(158)

Chinese Journal of Bioinformatics

Vol. 11 No. 2 Jun. ,2013

Contents

Articles

Design and evaluation of group-targeted PCR primers	DONG Sheng, YU Zhi-ming, SONG Xiu-xian, HAN Xiao-tian, CAO Xi-hua(79)
Prediction of Protein Folding-rate Based on the Hydrophobic Value Vibration	HU Rui, SHI Xiao-hong LI Jin-hui(86)
Electronic cloning and characterization of sugarcane ScASADH gene using bioinformatics tools	HUANG Ning, ZHANG Yu-ye, SU Ya-chun, LUO Jun, WANG Jian-hua, SU Wei-hua, XU Li-Ping, QUE You-xiong(91)
A method for constructing phylogenetic tree based on k-mer information	LIU Hong-meい, LIU Guo-qing(100)
Two-dimensional gel electrophoresis and mass spectrometry database for rice proteomics research constructed by make2D-DB II Package ...	LIU Hai-Jun, ZHU Ke-ming, YANG Yan-hua, QIU Xu-hua, CHEN Ke-ping(105)
cDNA cloning of the endochitinase from <i>Trichoderma viride</i> and the sequence analysis of its encoding protein ...	YU Ping, YANG Wei-fang, ZHANG Hui-hui(109)

Reviews

Research progress of GPGPU accelerated biological sequence alignment	SHEN Yu-lin, JIN Neng-zhi, SUN Yi-tong, ZHE Jian-wu, MA Yao(115)
--	--

Letters

Rice Protein Affects Gene and Protein Expressions of LDLR in Adult Rats	PENG Xue, YANG Lin, LIU Qiao-hong, LI Ya-nan, LI Kai(120)
The Method of Identify SUBTILISIN BPN Protein Key Region of Thermostable Transformation on Surface	DING Cheng, LI Xiao-qin(124)
Construction and evaluation of a three-dimensional structure of porcine aminoacylase I	LIU Zhi-gang, DENG Bei, YANG Bo, HU Zheng(130)
Apply protein-protein interaction network to analyze characteristics of the gene expression in PBMC of operational tolerant liver transplant recipients	XU Hong-lai, XIAO Min, YANG Chao, GAO Yi, LUO Zhen-long, ZHOU Hong-min, CHEN Zhong-hua(136)
A numerical characterization of DNA sequences based on k-words and its application	LIU Jun-hong, LI Chun(142)
Structural equation mixture modeling and their application in analysis of SNP	YANG Yuan-yuan, JIA Zhi-jie, LI Zhi, LUO Yan-hong, ZHANG Yan-bo(146)
Study of yeast evolutionary footprints based on the prediction of nucleosome positioning	XIAO Jian-ping, FENG Ji-hua, LU Ying, SHAN Qiu-fu(150)
Computational identification and functional analysis of long non-coding RNA in <i>Triticum aestivum</i>	SHU Yong-jun, ZHANG Jing-hong, WANG Ming-bo, GUO Dong-lin, WANG Xiao-ping, GUO Chang-hong(153)
The actomyosin ATPase cycle model of the collective myosins	PENG Yan-hui, HE Dong-li(158)