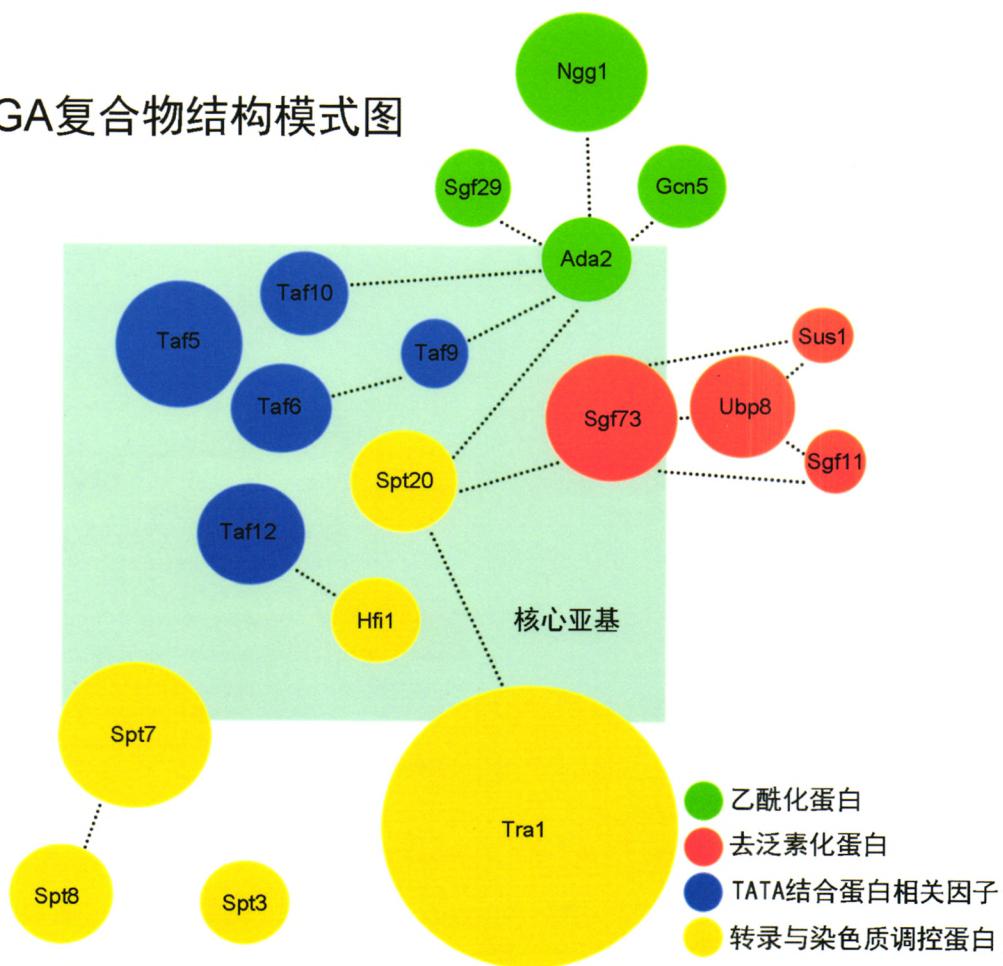




Hereditas (Beijing)

● 中国精品科技期刊 ● 中文核心期刊 ● 中国科学引文数据库收录期刊 ● 美国MEDLINE收录期刊

SAGA复合物结构模式图



ISSN 0253-9772



中国遗传学会
中国科学院遗传与发育生物学研究所 主办

目 次

综 述

- | | | |
|---------------------------------------|------------------------|-------|
| Hippo/YAP 和 Wnt/β-catenin 通路的对话 | 许飞, 张进, 马端 | (95) |
| 动物 microRNA-181 的功能与应用前景 | 常杨, 穆伟涛, 满朝来 | (103) |
| 基因组育种值估计的贝叶斯方法 | 王重龙, 丁向东, 刘剑锋, 殷宗俊, 张勤 | (111) |

研究报告

- | | | |
|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------|-------|
| Hsa-miR-125b 在人胃癌耐药细胞株中的表达及其靶基因的功能分析 | 程燕, 陈琳, 曹忻, 哈斯其美格, 谢小冬 | (119) |
| 两个携带线粒体 tRNA ^{Met} /tRNA ^{Gln} A4401G 和 tRNA ^{Cys} G5821A 突变的中国汉族原发性高血压家系的临床及分子遗传学特征 | 许美芬, 何轶群, 耿军伟, 孟燕子, 于涵, 林枝, 施苏雪, 薛凌, 卢中秋, 管敏鑫 | (127) |
| 太平洋牡蛎酪氨酸酶基因家族的系统发生分析 | 于雪, 于红, 孔令锋, 李琪 | (135) |
| 绵麦 37 特异位点在其衍生品种中的遗传贡献率分析 | 任勇, 李生荣, 罗建明, 何中虎, 杜小英, 周强, 何员江, 魏育明, 郑有良 | (145) |
| 蒺藜苜蓿全基因组中 WRKY 转录因子的鉴定与分析 | 宋辉, 南志标 | (152) |
| 裂殖酵母 SAGA 各亚基亚细胞荧光定位分析 | 周幸, 周楠, 余垚, 吕红 | (169) |

遗传学教学

- | | | |
|-----------------------------|----------|-------|
| 激发学生对遗传学实验学习兴趣的教学方法探索 | 肖建富, 石春海 | (181) |
|-----------------------------|----------|-------|

科学新闻

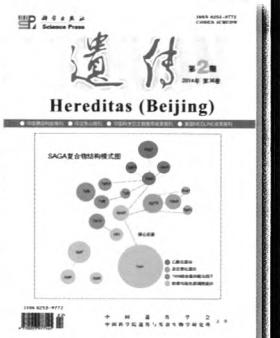
- | | | |
|------------------------|--|-------|
| 小颅畸形症致病机制研究的重要进展 | | (187) |
|------------------------|--|-------|

综合信息

- | | | |
|---------------------------------|--|-------|
| 《遗传》再次荣获“中国国际影响力优秀学术期刊”称号 | | (151) |
| 2014 年作者须知 | | (188) |

封面说明

以前人的研究数据以及综述总结为基础, 封面图为SAGA复合物(Spt-Ada-Gcn5 Acetyltransferase complex)的结构模式图, 包括了19个亚基体内的基本分布情况。圆圈的大小模拟代表蛋白的相对大小。虚线代表前人已经有实验证明两者之间存在遗传或生化的相互作用。颜色代表不同的模块, 绿色代表乙酰化功能模块, 橙色代表去泛素化功能模块, 蓝色代表TATA结合蛋白相关模块, 黄色代表转录与染色质结构调控模块中间的深色方框代表核心亚基, 基于前人的综述认为他们是SAGA复合物的核心亚基。详见本期周幸, 周楠, 余垚, 吕红的文章“裂殖酵母SAGA各亚基亚细胞荧光定位分析”一文(第169~180页)。



CONTENTS

Reviews

- Crosstalk of Hippo/YAP and Wnt/β-catenin pathways Fei Xu, Jin Zhang, Duan Ma (95)
The function and application of animal microRNA-181 Yang Chang, Weitao Mu, Chaolai Man (103)
Bayesian methods for genomic breeding value estimation
..... Chonglong Wang, Xiangdong Ding, Jianfeng Liu, Zongjun Yin, Qin Zhang (111)

Research Articles

- Expression profiling and functional analysis of hsa-miR-125b and its target genes in drug-resistant cell line of
human gastric cancer Yan Cheng, Lin Chen, Xin Cao, Siqimeige Ha, Xiaodong Xie (119)
The mitochondrial tRNA^{Met}/tRNA^{Gln}A4401G and tRNA^{Cys}G5821A mutations may be associated with hypertension
in two Han Chinese families Meifen Xu,
Yiqun He, Junwei Geng, Yanzi Meng, Han Yu, Zhi Lin, Suxue Shi, Ling Xue, Zhongqiu Lu, Minxin Guan (127)
Phylogenetic analysis of tyrosinase gene family in the Pacific oyster (*Crassostrea gigas* Thunberg)
..... Xue Yu, Hong Yu, Lingfeng Kong, Qi Li (135)
Frequency and contribution of specific genetic loci transferred from wheat cultivar Mianmai 37 to its derivatives
..... Yong Ren, Shengrong Li,
Jianming Luo, Zhonghu He, Xiaoying Du, Qiang Zhou, Yuanjiang He, Yuming Wei, Youliang Zheng (145)
Genome-wide identification and analysis of WRKY transcription factors in *Medicago truncatula*
..... Hui Song, Zhibiao Nan (152)
Subcellular fluorescence localization analysis of all SAGA subunits in fission yeast (*Schizosaccharomyces pombe*)
..... Xing Zhou, Nan Zhou, Yao Yu, Hong Lv (169)

Genetics Teaching

- Exploration for effective teaching methods to promote students' learning interest in genetics experiment
..... Jianfu Xiao, Chunhai Shi (181)

Life Technologies 试剂积分尊享计划



订购Life Technologies试剂，
即可换取积分获得亚马逊购物卡！

只需下载App，输入您的Life Technologies试剂订单信息，就可获得积分、兑换亚马逊购物卡。



产品活动范围包括大部分Life Technologies (如荧光定量PCR、反转录、终点法PCR试剂，样本处理试剂，核酸电泳试剂等等)，且参与的产品在不断更新中。



1. 从您的手机Apple Store/Google Play Store 搜索“Reagent Rewards”，
获得App后即可下载安装。
2. 从Life Technologies销售代表处获得App的安装文件。

详细信息，请登录lifetechnologies.com/rewards

Life Technologies公司

免费服务电话：800 820 8982 / 400 820 8982

销售服务信箱：sales-cn@lifetech.com

技术咨询信箱：cntechsupport@lifetech.com

上海办事处 电话：021-61452000

北京办事处 电话：010-84461800

广州办事处 电话：020-38975100

成都办事处 电话：028-86672836

www.lifetechnologies.com

life
technologies™